

Table 4S

Confusion matrices of *MLM* and *HMM* on deep sequencing approach (DS) data by pugh et Al. (2007).

<i>M</i>	<i>L</i>	<i>M</i>	<i>H</i>	<i>M</i>	<i>M</i>
	<i>L</i>	<i>N</i>		<i>L</i>	<i>N</i>
<i>L</i>	0.40	0.60	<i>L</i>	0.40	0.60
<i>N</i>	0.24	0.76	<i>N</i>	0.53	0.46