

Table 3S

Confusion matrices of *MLM* on 6 different signal to noise ratio for nucleosome (N) and linker (L) regions.

<i>snr</i> = 1	<i>L</i>	<i>N</i>	<i>snr</i> = 2	<i>L</i>	<i>N</i>
<i>L</i>	0,81	0,19	<i>L</i>	0,88	0,12
<i>N</i>	0,04	0,96	<i>N</i>	0	1
<i>snr</i> = 4	<i>L</i>	<i>N</i>	<i>snr</i> = 6	<i>L</i>	<i>N</i>
<i>L</i>	0,94	0,06	<i>L</i>	0,96	0,04
<i>N</i>	0,01	0,99	<i>N</i>	0	1
<i>snr</i> = 8	<i>L</i>	<i>N</i>	<i>snr</i> = 10	<i>L</i>	<i>N</i>
<i>L</i>	0,96	0,04	<i>L</i>	0,97	0,03
<i>N</i>	0	1	<i>N</i>	0	1